**Achtergrond info genomics bij MRIJ.**

Merkerselectie helpt genetische vooruitgang mrij

Niet alleen bij het holsteinras ondersteunt CRV de genetische vooruitgang met merkertesten. Ook bij het mrij-ras werkt CRV aan grotere referentiepopulatie, zo meldt Gosse Veninga namens de afdeling Genetic Products van CRV.

Speciaal aanbod voor mrij

De omvang van de mrij-populatie is veel kleiner dan de omvang van de holsteinpopulatie. Het is daarom een uitdaging om de betrouwbaarheid van de genoom-fokwaarden op een hoger peil te brengen. Het gebruik van merkertesten, die het DNA van individuele dieren in kaart brengen, is juist bij deze kleinere populaties een uitkomst.

‘Met meer informatie uit merkertesten gaat de betrouwbaarheid van de fokwaarden omhoog’, vertelt Gosse. ‘Door de DNA-informatie van 600 mrij-fokstieren in kaart te brengen steeg de betrouwbaarheid al met vijf tot tien procent, afhankelijk van het kenmerk.’

Inmiddels zijn daar ook de gegevens van duizend koeien aan toegevoegd, die in de loop van dit jaar in de analyse worden meegenomen. ‘Met dank aan achttien mrij-veehouders die tot nog toe het DNA van hun dieren lieten analyseren. Begin 2018 kijken we of dit project kan worden uitgebreid’, zegt Veninga.

Overige zeldzame huisdierrassen

Met dit project helpt CRV ook bij het behoud van de zeldzame huisdierrassen, bijvoorbeeld de brandrode runderen die ook verwant zijn aan mrij. ‘Door de aanleg en afkomst van dieren in kaart te brengen kunnen we in het fokprogramma bijvoorbeeld rekening houden met genetische afwijkingen’, zegt Veninga. ‘Ook kunnen we de genetische spreiding voldoende breed houden. Dat draagt bij aan de overlevingskans van het ras.’

Bron: ” veeteelt- juni 1/2 – 2017”